

DAFTAR PUSTAKA

- Afiahayati, & Mulyana, S. (2008). *Multiple sequence alignment Menggunakan Hidden Markov Model*. *Seminar Nasional Informatika 2008*, ISSN: 1979-2328, 1–10. https://doi.org/10.1007/978-3-031-20017-5_5
- Anissa, D. D., & Dewi, R. K. (2021). Peran Protein: ASI dalam Meningkatkan Kecerdasan Anak untuk Menyongsong Generasi Indonesia Emas 2045 dan Relevansi Dengan Al-Qur'an. *Jurnal Tadris IPA Indonesia*, 1(3), 427–435. <https://doi.org/10.21154/jtii.v1i3.393>
- Darmawati. (2023). Analisis Manajemen Pembelajaran Pendidikan Pancasila Dalam Meningkatkan Pemahaman Nilai-Nilai Pancasila Pada Mahasiswa Semester I Prodi Pendidikan Jasmani Unimerz Tahun 2022. *Journal of Innovation Research and Knowledge*, 2(10), 3937–3946. <https://doi.org/10.53625/jirk.v2i10.5239>
- Fatchiyah. (2015). *Prinsip Dasar Bioinformatika* (Fatchiyah (ed.); 1st ed.). UB Press.
- Harahap, N. (2014). Penelitian Kepustakaan. *Jurnal Iqra'*, 8(1), 68–73.
- Katoh, K., & Rozewicki, J. (2023). *Layanan online MAFFT: penyelarasan beberapa urutan, pilihan urutan interaktif dan visualisasi*. 20(September 2017), 1160–1166.
- Katoh, & Standley. (2024). MAFFT *Multiple sequence alignment* Software Version 7: Improvements in Performance and Usability. *Molecular Biology and Evolution*, 41(2), 609–617. <https://doi.org/10.1093/molbev/msad045>
- Kharisma, V. D., Ansori, A. N. M., Abdillah, M. I. P. G., Affan, A. A. M., & Sucipto, T. H. (2024). *Panduan Belajar Bioinformatika Desain Kandidat Obat Berbasis Alam untuk Pemula* (Andriyanto (ed.); 1st ed.). Penerbit Lakeisha.
- Kurniawan, A. (2019). Model komputasi *multiple sequence alignment* dalam lingkungan Hadoop. *Tel-U Collection*.
- Maiolo, M., Xiaolei, Z., Gil, M., & Anisimova, M. (2018). *Penyelarasan sekuens jamak progresif dengan evolusi indel*. 0, 1–8.
- Mistry. (2024). Pfam: The protein families database in 2024. *Nucleic Acids*

- Research*, 52(1), 388–396. <https://doi.org/10.1093/nar/gkad1041>
- Muflikah, L., Widodo, Mahmudi, W. F., & Solimun. (2018). *Machine Learning dalam Bioinformatika* (Widodo (ed.); 1st ed.). UB Press.
- Onsu, I. F., Mantiri, M. S., & Singkoh, F. (2019). Analisis Pelaksanaan Tugas Pokok Dan Fungsi Camat Dalam Meningkatkan Pelayanan Publik Di Kecamatan Kawangkoan Barat Kabupaten Minahasa. *Jurnal Eksekutif: Jurnal Jurusan Ilmu Pemerintahan*, 3(3), 1–8.
- Pais, F. S.-M., Ruy, P. de C., Oliveira, G., & Coimbra, R. S. (2014). Not assessing the efficiency of *multiple sequence alignment* programs. *Algorithms for Molecular Biology*, 9(1), 1–8. <https://doi.org/10.1186/1748-7188-9-18>
- Probosari, E. (2019). Pengaruh Protein Diet terhadap Indeks Glikemik. *JNH (Journal of Nutrition and Health)*, 7(1), 33–39.
- _SISTEM_PEMBETUNGAN_TERPUSAT_STRATEGI_MELESTARI
- Reddy, B. (2022). Algoritma Penyelesaian Urutan Ganda dalam Bioinformatika Algoritma Penyelesaian Urutan Ganda dalam Bioinformatika. *ResearchGate*.
- Rubani, N. (2023). Penelitian Kepustakaan. *Jurnal Pengajian Islam*, 16(1), 9–21. <https://doi.org/10.53840/jpi.v16i1.235>
- Sayood, K., & Otu, H. H. (2022). *Multiple sequence alignment*. *Synthesis Lectures on Biomedical Engineering*, 85–101. https://doi.org/10.1007/978-3-031-20017-5_5
- Seemann. (2024). *Alignment benchmarking for large viral genomes: MAFFT and Clustal Omega in SARS-CoV-2 surveillance*. *Virus Evolution*, 10(1).
- Sharma, Kumar, & Singh. (2024). Comparative analysis of *multiple sequence alignment* tools for protein families: MAFFT, Clustal Omega and MUSCLE revisited. *Computational Biology and Chemistry*, 103.
- Sievers, & Higgins. (2023). Clustal Omega for making accurate *alignments* of many protein sequences. *Protein Science*, 32(5), 1234–1245.
- Steinberger, & Soding. (2023). MMseqs2 enables sensitive protein sequence searching for the analysis of massive data sets. *Nature Biotechnology*, 41, 1360–1370.
- Umar, C. B. P. (2023). Penyuluhan Tentang Pentingnya Peranan Protein Dan Asam

Amino Bagi Tubuh Di Desa Negeri Lima. *Jurnal Pengabdian Ilmu Kesehatan*, 1(3), 52–56. <https://doi.org/10.55606/jpikes.v1i3.1412>

Winarso, D., Asrianto, R., & Al Rasyid, I. (2021). Analisis Tingkat Kepuasan Pengguna Terhadap Penerapan Learning Management System (Lms) Ujian Online Menggunakan Metode E-Servqual. *Journal of Software Engineering and Information Systems*, 2(1), 80–85. <https://doi.org/10.37859/seis.v2i1.3285>

Wulandari, A. (2020). Aplikasi Support Vector Machine (SVM) untuk Pencarian Binding Site Protein-Ligan. *MATHunesa: Jurnal Ilmiah Matematika*, 8(2), 157–161. <https://doi.org/10.26740/mathunesa.v8n2.p157-161>

